

ADN

DNA

Le profil ADN du sujet a été réalisé et l'empreinte génétique (STR-ISAG2006 / SNP-ISAG2020) est enregistrée dans notre base de données. Une filiation peut être demandée avec ce chien.

Santé

Maladies suivies par le club de race

CEA-1.2

Porteur anomalie oeil du colley genetique

Hétérozygote pour le gène NHEJ1. Le chien est porteur de la maladie Anomalie De L'Oeil Du Colley déterminée par la mutation c.588+462_588+8260del7799bp de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie, mais transmet la mutation à environ la moitié de sa descendance.

PRCD-1.1

Indemne atrophie retinienne progressive - prcd

Homozygote non muté pour le gène prcd. Le chien est indemne de la maladie Atrophie Rétinienne Progressive - prcd déterminée par la mutation c.5G>A de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

MDR1-1.1

Indemne de sensibilite medicamenteuse

Homozygote non muté pour le gène ABCB1. Le chien est indemne de Sensibilité Médicamenteuse déterminée par la mutation c.295_298del de ce gène (indemne MDR1). Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

DM1A-1.1

Indemne myelopathie degenerative type a

Homozygote non muté pour le gène SOD1. Le chien est indemne de la Myélopathie Dégénérative déterminée par la mutation c.118G>A de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

CAT-HSF4-A-1.1

Indemne cataracte - cat hsf4 a

Homozygote non muté pour le gène HSF4. Le chien est indemne de la Cataracte déterminée par la mutation c.11C>G de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Maladies sous surveillance

HUU-1.1

Indemne hyperuricosurie

Homozygote non muté pour le gène SLC2A9. Le chien est indemne de la maladie Hyperuricosurie déterminée par la mutation c.616G>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

LocB-b/b

Homozygote eumelanine marron

Homozygote eumélanine marron (chocolat) - Le pigment foncé (eumélanine) produit par ce chien est marron, l'animal transmet systématiquement ce caractère à sa descendance. Remarque : ce gène détermine uniquement la couleur de l'eumélanine, mais n'influe pas sur le patron de la robe.

LocK-ky/ky

Homozygote fauve

Homozygote 'neutre' - la couleur liée au locus A s'exprime normalement. L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle ky) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien exprime par ailleurs le caractère extension muté (e/e) au locus E.

LocE-E/E

Homozygote extension eumelanine

Homozygote pour le caractère extension - chien produisant des pigments foncés (eumélanines). L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle E) à sa descendance.

LocS-S/S

Non porteur de l'allele de panachure moyenne

Chien ne possédant pas l'allèle de panachure responsable de la panachure moyenne. L'animal n'est pas porteur du caractère « panachure moyenne », il ne transmet pas ce caractère à sa descendance.

LocA-at/at

Homozygote marques feu/à manteau

Homozygote marques feu / à manteau - le chien est marqué de feu ou à manteau. L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle at) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien est par ailleurs porteur du caractère dominant noir (Kb/-) ou s'il exprime le caractère extension muté (e/e).

QC-QC/n

Hétérozygote queue courte

Hétérozygote Queue Courte - le chien a la queue courte naturelle, l'animal est porteur du caractère queue longue et peut transmettre ces deux caractères à sa descendance